



KP43 1:NDVARGIVKADVAQSSYGLYGQGIIVAVADTGLDTGRNDSSMHEA 45
KP9860 1:NDVARGIVKADVAQSSYGLYGQGIIVAVADTGLDTGRNDSSMHEA 45
KP9865 1:NDVARGIVKADVAQSSYGLYGQGIIVAVADTGLDTGRNDSSMHEA 45
E-1 1:NDVARGIVKADVAQNNYGLYGQGVVAVADTGLDTGRNDSSMHEA 45
Ya 1:NDVARGIVKADVAQNNYGLYGQGVVAVADTGLDTGRNDSSMHEA 45
SD-521 1:NDVARGIVKADVAQNNYGLYGQGVVAVADTGLDTGRNDSSMHEA 45
A-1 1:NDVARGIVKADVAQSSYGLYGQGVVAVADTGLDTGRNDSSMHEA 45
A-2 1:NDVARGIVKADVAQNNFGLYGQGIIVAVADTGLDTGRNDSSMHEA 45

***** . *****

KP43 46:FRGKITALYALGRITNNANDTNGHGTTHVAGSVLGNSTNKGMAPQA 90
KP9860 46:FRGKITALYALGRITNNANDTNGHGTTHVAGSVLGNSTNKGMAPQA 90
KP9865 46:FRGKITALYALGRITNNANDTNGHGTTHVAGSVLGNSTNKGMAPQA 90
E-1 46:FRGKITALYALGRITNNANDPNGHGTTHVAGSVLGNALNKG-MAPQA 89
Ya 46:FRGKITALYALGRITNNASDPNGHGTTHVAGSVLGNALNKG-MAPQA 89
SD-521 46:FRGKITALYALGRITNNANDPNGHGTTHVAGSVLGNALNKG-MAPQA 89
A-1 46:FRGKITAIYALGRITNNANDPNGHGTTHVAGSVLGNSTNKGMAPQA 90
A-2 46:FRGKITALYALGRITNNANDPNGHGTTHVAGSVLGNATNK-GMAPQA 89

***** . *****

FIG1-1

FIG1-2

181:TVGATENLRPSFGSYADNINHVAQFSSRGPTKDGRIKPDVMAPGT	225
181:TVGATENLRPSFGSYADNINHVAQFSSRGPTKDGRIKPDVMAPGT	225
181:TVGATENLRPSFGSYADNINHVAQFSSRGPTKDGRIKPDVMAPGT	225
180:TVGATENYRPSFGSIADNPNIHIAQFSSRGATRDGRIKPDVTAPGT	224
180:TVGATENYRPSFGSIADNPNIHIAQFSSRGATRDGRIKPDVTAPGT	224
180:TVGATENYRPSFGSLADNPNIHIAQFSSRGATRDGRIKPDVTAPGT	224
181:TVGATENLRPSFGSYADNINHVAQFSSRGPTKDGRIKPDVMAPGT	225
180:TVGATENLRPSFGSYADNINHVAQFSSRGPTRDGRIKPDVMAPGT	224
*****.*****.***.***.*****.* *****.*****	
226:FILSARSSLAPDSSFWANHDSKYAYMGTSMATPIVAGNVAQLRE	270
226:YILSARSSLAPDSSFWANHDSKYAYMGTSMATPIVAGNVAQLRE	270
226:FILSARSSLAPDSSFWANHDSKYAYMGTSMATPIVAGNVAQLRE	270
225:FILSARSSLAPDSSFWANYNSKYAYMGTSMATPIVAGNVAQLRE	269
225:FILSARSSLAPDSSFWANYNSKYAYMGTSMATPIVAGNVAQLRE	269
225:FILSARSSLAPDSSFWANYNSKYAYMGTSMATPIVAGNVAQLRE	269
226:FILSARSSLAPDSSFWANHDSKYAYMGTSMATPIVAGNVAQLRE	270
225:YILSARSSLAPDSSFWANHDSKYAYMGTSMATPIVAGNVAQLRE	269
*****.*****.***.***.*****.*****.*****	

KP43	181:TVGATENLRPSFGSYADNINHVAQFSSRGPTKDGRIKPDVMAPGT	225
KP9860	181:TVGATENLRPSFGSYADNINHVAQFSSRGPTKDGRIKPDVMAPGT	225
KP9865	181:TVGATENLRPSFGSYADNINHVAQFSSRGPTKDGRIKPDVMAPGT	225
E-1	180:TVGATENYRPSFGSIADNPNIHIAQFSSRGATRDGRIKPDVTAPGT	224
Ya	180:TVGATENYRPSFGSIADNPNIHIAQFSSRGATRDGRIKPDVTAPGT	224
SD-521	180:TVGATENYRPSFGSLADNPNIHIAQFSSRGATRDGRIKPDVTAPGT	224
A-1	181:TVGATENLRPSFGSYADNINHVAQFSSRGPTKDGRIKPDVMAPGT	225
A-2	180:TVGATENLRPSFGSYADNINHVAQFSSRGPTRDGRIKPDVMAPGT	224
*****.*****.***.***.*****.* *****.*****		
KP43	226:FILSARSSLAPDSSFWANHDSKYAYMGTSMATPIVAGNVAQLRE	270
KP9860	226:YILSARSSLAPDSSFWANHDSKYAYMGTSMATPIVAGNVAQLRE	270
KP9865	226:FILSARSSLAPDSSFWANHDSKYAYMGTSMATPIVAGNVAQLRE	270
E-1	225:FILSARSSLAPDSSFWANYNSKYAYMGTSMATPIVAGNVAQLRE	269
Ya	225:FILSARSSLAPDSSFWANYNSKYAYMGTSMATPIVAGNVAQLRE	269
SD-521	225:FILSARSSLAPDSSFWANYNSKYAYMGTSMATPIVAGNVAQLRE	269
A-1	226:FILSARSSLAPDSSFWANHDSKYAYMGTSMATPIVAGNVAQLRE	270
A-2	225:YILSARSSLAPDSSFWANHDSKYAYMGTSMATPIVAGNVAQLRE	269
*****.*****.***.***.*****.*****.*****		

FIG1-3

FIG1-4

KP43	361:SVTLVNDLDELVTAPNGTQYVGNDFTSPYDNDWDGRNNVENVFIN	405
KP9860	361:SVTLVNDLDELVTAPNGTRYVGNDFSAPFDNNWDGRNNVENVFIN	405
KP9865	361:SVTLVNDLDELVTAPNGTQYVGNDFTSPYNNNDWDGRNNVENVFIN	405
E-1	360:SYTLVNDLDELVTAPNGQKYVGNDFSYPYDNNWDGRNNVENVFIN	404
Ya	360:SYTLVNDLDELVTAPNGQKYVGNDFSYPYDNNWDGRNNVENVFIN	404
SD-521	360:SYTLVNDLDELVTAPNGQKYVGNDFSYPYDNNWDGRNNVENVFIN	404
A-1	361:SVTLVNDLDELVTAPNGTKYVGNDFTAPYDNNWDGRNNVENVFIN	405
A-2	360:SLTLVNDLDELVTAPNGTKYVGNDFTAPYDNNWDGRNNVENVFIN	404

* ***** . . . ***** * . . . ***** *

KP43	406:APQSGTYTIEVQAYNVPGPQTFSLAIVN	434
KP9860	406:SPQSGTYTIEVQAYNVPGPQNFSLAIVN	434
KP9865	406:APQSGTYTIEVQAYNVPGPQTFSLAIVN	434
E-1	405:APQSGTYTIEVQAYNVPSGPQRFSLAIVH	433
Ya	405:APQSGTYTIEVQAYNVPSGPQRFSLAIVH	433
SD-521	405:APQSGTYTIEVQAYNVPSGPQRFSLAIVH	433
A-1	406:APQSGTYTVEVQAYNVPGPQAFSLAIVN	434
A-2	405:APQSGTYTVEVQAYNVPSGPQTFSLAIVH	433

. ***** . . . ***** . ** *****

FIG1-5



